Les facteurs explicatifs de la différenciation génétique des populations

**2**

unité

Protocole de TP

**Simuler les travaux de Buri dans un laboratoire virtuel (Virtual Biology Lab)**

* Matériel nécessaire :

- le laboratoire virtuel Virtual Biology Lab : [**http://virtualbiologylab.org/NetWebHTML\_FilesJan2016/GeneticDriftModel.html**](http://virtualbiologylab.org/NetWebHTML_FilesJan2016/GeneticDriftModel.html)

* Protocole :

1. À l’aide du menu déroulant (sur fond vert) « InitPropbw », définir une proportion initiale de l'allèle bw dans toutes les populations (options possibles : 0 ; 1 ; 0,25 ; 0,5 ; 0,75 ; 0,9 ; 1,0)
2. À l’aide du menu déroulant (sur fond vert) « Pop\_Size », définir le nombre de mouches détenues dans chaque flacon (options : 5 ; 10 ; 20 ; 40 ; 80)
3. Faire tourner le modèle avec la commande « Go ».
4. Observer le graphique : tracé des proportions d'allèles bw au fil des générations, dans lequel chaque trace est une population dans un des 10 flacons.
5. Pour arrêter la simulation, réutiliser la commande « Go ».
6. Pour réinitialiser afin de mener une autre simulation, utiliser la commande « Reset ».