Les mécanismes moléculaires de la contraction musculaire

**3**

unité

Protocole de TP

Modéliser des molécules

* Matériel nécessaire :

- logiciel Libmol

- séquence **1b7t.pdb** : séquence pour modéliser la myosine liée à l’ADP

- séquence **4anj.pdb** : séquence pour modéliser la myosine après le départ de l’ADP

- fiche technique Libmol : <https://libmol.org/docs/FT_Libmol.pdf>

* Protocole :
1. Garder uniquement la chaîne de myosine et masquer les autres molécules.
2. Mettre en évidence, le cas échéant, l’ADP en le sélectionnant, choisissant une représentation en « sphères » et une couleur différente de celle de la chaîne de myosine afin de mieux le repérer.