

Protocole

Obtenir les images du document 5

► Matériel nécessaire :

- Libmol : <https://libmol.org/>
- fiche technique Libmol : https://libmol.org/docs/FT_Libmol.pdf
- fichiers : **cb1_anandamide.pdb** et **cb1_thc.pdb**

► Protocole :

1. Ouvrir Libmol, puis cliquer sur le nuage dans « Charger un fichier local » pour ouvrir le fichier **cb1_anandamide.pdb**.
2. Dans la fenêtre « Séquence » sélectionner uniquement la chaîne X qui correspond au récepteur CB1 et l'afficher en « boules et bâtonnets » et en bleu.
3. Toujours dans la fenêtre « Séquence » sélectionner uniquement la chaîne Y qui correspond au ligand et l'afficher en « sphères » et en vert.
4. Faire pivoter la molécule et éventuellement obtenir une vue en coupe en utilisant la commande « Position du plan de coupe avant » disponible dans la commande « Réglages » en haut à droite de l'écran.
5. Ouvrir un nouvel onglet Libmol et procéder de même avec le fichier **cb1_thc.pdb** en colorant cette fois-ci le ligand (le THC) en rouge.