Les limites du modèle théorique de Hardy-Weinberg

**1**

unité

Protocole de TP

Simuler l’effet de la migration d’un petit groupe d’Homo sapiens

* Matériel nécessaire :

- logiciel NetBioDyn

- tutoriel pour NetBioDyn : faire tourner un modèle

- modèle numérique ABO de suivi des 6 génotypes relatifs aux groupes sanguins du système ABO

* Protocole :
1. Ouvrir avec NetBioDyn le modèle ABO
2. Faire une première simulation en plaçant dans l’environnement 20 individus de chaque sorte de génotype. Observer les résultats à t = 1000 tics (unités arbitraires de temps).
3. Faire une deuxième situation en plaçant dans l’environnement 20 individus de chaque génotype O/O et un seul individu de chaque autre sorte de génotype. Observer les résultats à t = 1000 tics.
4. Calculer et comparer les fréquences alléliques obtenues pour chaque simulation.